

### **Loss of SUFU function in familial multiple meningioma**

Aavikko, M., Li, S. P., Saarinen, S., Alhopuro, P., Kaasinen, E., Morgunova, E., Li, Y., Vesanen, K., Smith, M. J., Evans, D. G. R., Pöyhönen, M., Kiuru, A., Auvinen, A., Aaltonen, L. A., Taipale, J. & Vahteristo, P., 7 syyskuuta 2012, julkaisussa : AMERICAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS. 91, 3, s. 520-526 7 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **Multiple novel prostate cancer susceptibility signals identified by fine-mapping of known risk loci among Europeans**

Al Olama, A. A., Dadaev, T., Hazelett, D. J., Li, Q., Leongamornlert, D., Saunders, E. J., Stephens, S., Cieza-Borrella, C., Whitmore, I., Garcia, S. B., Giles, G. G., Southey, M. C., Fitzgerald, L., Gronberg, H., Wiklund, F., Aly, M., Henderson, B. E., Schumacher, F., Haiman, C. A., Schleutker, J., Wahlfors, T., Tammela, T. L., Nordestgaard, B. G., Key, T. J., Travis, R. C., Neal, D. E., Donovan, J. L., Hamdy, F. C., Pharoah, P., Pashayan, N., Khaw, K. T., Stanford, J. L., Thibodeau, S. N., McDonnell, S. K., Schaid, D. J., Maier, C., Vogel, W., Luedeke, M., Herkommer, K., Kibel, A. S., Cybulski, C., Wokolorczyk, D., Kluzniak, W., Cannon-Albright, L., Brenner, H., Butterbach, K., Arndt, V., Park, J. Y., Sellers, T., Lin, H. Y., Slavov, C., Kaneva, R., Mitev, V., Batra, J., Clements, J. A., Spurdle, A., Teixeira, M. R., Paulo, P., Maia, S., Pandha, H., Michael, A., Kierzek, A., Govindasami, K., Guy, M., Lophatonanon, A., Muir, K., Viñuela, A., Brown, A. A., Freedman, M., Conti, D. V., Easton, D., Coetzee, G. A., Eeles, R. A. & Kote-Jarai, Z., 1 lokakuuta 2015, julkaisussa : HUMAN MOLECULAR GENETICS. 24, 19, s. 5589-5602 14 Sivumäärä, ddv203.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **A meta-analysis of genome-wide association studies to identify prostate cancer susceptibility loci associated with aggressive and non-aggressive disease**

Al Olama, A. A., Kote-Jarai, Z., Schumacher, F. R., Wiklund, F., Berndt, S. I., Benlloch, S., Giles, G. G., Severi, G., Neal, D. E., Hamdy, F. C., Donovan, J. L., Hunter, D. J., Henderson, B. E., Thun, M. J., Gaziano, M., Giovannucci, E. L., Siddiq, A., Travis, R. C., Cox, D. G., Canzian, F., Riboli, E., Key, T. J., Andriole, G., Albanes, D., Hayes, R. B., Schleutker, J., Auvinen, A., Tammela, T. L. J., Weischer, M., Stanford, J. L., Ostrander, E. A., Cybulski, C., Lubinski, J., Thibodeau, S. N., Schaid, D. J., Sorensen, K. D., Batra, J., Clements, J. A., Chambers, S., Aitken, J., Gardiner, R. A., Maier, C., Vogel, W., Dörk, T., Brenner, H., Habuchi, T., Ingles, S., John, E. M., Dickinson, J. L., Cannon-Albright, L., Teixeira, M. R., Kaneva, R., Zhang, H. W., Lu, Y. J., Park, J. Y., Cooney, K. A., Muir, K. R., Leongamornlert, D. A., Saunders, E., Tymrakiewicz, M., Mahmud, N., Guy, M., Govindasami, K., O'Brien, L. T., Wilkinson, R. A., Hall, A. L., Sawyer, E. J., Dadaev, T., Morrison, J., Dearnaley, D. P., Horwich, A., Huddart, R. A., Khoo, V. S., Parker, C. C., Van As, N., Woodhouse, C. J., Thompson, A., Dudderidge, T., Ogden, C., Cooper, C. S., Lophatonanon, A., Southey, M. C., Hopper, J. L., English, D., Virtamo, J., Marchand, L. L., Campa, D., Kaaks, R., Lindstrom, S., Diver, W. R., Gapstur, S., Yeager, M., Cox, A., Stern, M. C., Corral, R., Aly, M., Isaacs, W., Adolfsson, J., Xu, J., Zheng, S. L., Wahlfors, T., Taari, K., Kujala, P., Klarskov, P., Nordestgaard, B. G., Røder, M. A., Frikke-Schmidt, R., Bojesen, S. E., FitzGerald, L. M., Kolb, S., Kwon, E. M., Karyadi, D. M., Orntoft, T. F., Borre, M., Rinckleb, A., Luedeke, M., Herkommer, K., Meyer, A., Serth, J. R., Marthick, J. R., Patterson, B., Wokolorczyk, D., Spurdle, A., Lose, F., McDonnell, S. K., Joshi, A. D., Shahabi, A., Pinto, P., Santos, J., Ray, A., Sellers, T. A., Lin, H. Y., Stephenson, R. A., Teerlink, C., Muller, H., Rothenbacher, D., Tsuchiya, N., Narita, S., Cao, G. W., Slavov, C., Mitev, V., Chanock, S., Gronberg, H., Haiman, C. A., Kraft, P., Easton, D. F. & Eeles, R. A., tammikuuta 2013, julkaisussa : HUMAN MOLECULAR GENETICS. 22, 2, s. 408-415 8 Sivumäärä, dds425.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **Analysis of Xq27-28 linkage in the international consortium for prostate cancer genetics (ICPCG) families**

Bailey-Wilson, J. E., Childs, E. J., Cropp, C. D., Schaid, D. J., Xu, J., Camp, N. J., Cannon-Albright, L. A., Farnham, J. M., George, A., Powell, I., Carpten, J. D., Giles, G. G., Hopper, J. L., Severi, G., English, D. R., Foulkes, W. D., Mæhle, L., Møller, P., Eeles, R., Easton, D., Guy, M., Edwards, S., Badzioch, M. D., Whitemore, A. S., Oakley-Girvan, I., Hsieh, C. L., Dimitrov, L., Stanford, J. L., Karyadi, D. M., Deutsch, K., McIntosh, L., Ostrander, E. A., Wiley, K. E., Isaacs, S. D., Walsh, P. C., Thibodeau, S. N., McDonnell, S. K., Hebbring, S., Lange, E. M., Cooney, K. A., Tammela, T. L. J., Schleutker, J., Maier, C., Bochum, S., Hoegel, J., Grönberg, H., Wiklund, F., Emanuelsson, M., Cancel-Tassin, G., Valeri, A., Cussenot, O. & Isaacs, W. B., 19 kesäkuuta 2012, julkaisussa : BMC MEDICAL GENETICS. 13, 46.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **Untangling statistical and biological models to understand network inference: The need for a genomics network ontology**

Emmert-Streib, F., Dehmer, M. & Haibe-Kains, B., 2014, julkaisussa : Frontiers in Genetics. 5, AUG, article 229.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **Enhancing our understanding of ways to analyze metagenomes**

Emmert-Streib, F., 2014, julkaisussa : Frontiers in Genetics. 5, APR, Article 108.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

### **The gene regulatory network for breast cancer: Integrated regulatory landscape of cancer hallmarks**

Emmert-Streib, F., Simoes, R. D. M., Mullan, P., Haibe-Kains, B. & Dehmer, M., 2014, julkaisussa : Frontiers in Genetics. 5, FEB, Article 15.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Personalized medicine: Has it started yet? A reconstruction of the early history**

Emmert-Streib, F., 2013, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 3, JAN, Article 313.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Statistical inference and reverse engineering of gene regulatory networks from observational expression data**

Emmert-Streib, F., Glazko, G. V., Altay, G. & Simoes, R. D. M., 2012, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 3, FEB, Article 8.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**The need for formally defining "modern medicine" by means of experimental design**

Emmert-Streib, F., Tuomisto, L. & Yli-Harja, O., 20 huhtikuuta 2016, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 7, APR, 60.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Against dataism and for data sharing of big biomedical and clinical data with research parasites**

Emmert-Streib, F., Dehmer, M. & Yli-Harja, O., 31 elokuuta 2016, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 7, AUG, 154.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Lessons from the human genome project: Modesty, honesty, and realism**

Emmert-Streib, F., Dehmer, M. & Yli-Harja, O., 23 marraskuuta 2017, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 8, NOV, 184.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Induction of genotoxic effects by chlorohydroxyfuranones, byproducts of water disinfection, in E. coli K-12 cells recovered from various organs of mice**

Fekadu, K., Parzefall, W., Kronberg, L., Franzen, R., Schulte-Hermann, R. & Knasmüller, S., 1994, julkaisussa : *Environmental and Molecular Mutagenesis*. 24, 4, s. 317-324 8 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**In a quest for engineering acidophiles for biomining applications: Challenges and opportunities**

Gumulya, Y., Boxall, N. J., Khaleque, H. N., Santala, V., Carlson, R. P. & Kaksonen, A. H., 21 helmikuuta 2018, julkaisussa : *Genes*. 9, 2, 116.

Tutkimustuotos: Katsausartikkeli >> vertaisarvioitu

**Baculovirus-mediated vascular endothelial growth factor-D $\Delta$ N $\Delta$ C gene transfer induces angiogenesis in rabbit skeletal muscle**

Heikura, T., Nieminen, T., Roschier, M. M., Karvinen, H., Kaikkonen, M. U., Mähönen, A. J., Lesch, H. P., Rissanen, T. T., Laitinen, O. H., Airene, K. J. & Ylä-Herttua, S., tammikuuta 2012, julkaisussa : *JOURNAL OF GENE MEDICINE*. 14, 1, s. 35-43 9 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Novel Loci for Metabolic Networks and Multi-Tissue Expression Studies Reveal Genes for Atherosclerosis**

Inouye, M., Ripatti, S., Kettunen, J., Lyytikäinen, L. P., Oksala, N., Laurila, P. P., Kangas, A. J., Soininen, P., Savolainen, M. J., Viikari, J., Kähönen, M., Perola, M., Salomaa, V., Raitakari, O., Lehtimäki, T., Taskinen, M. R., Järvelin, M. R., Ala-Korpela, M., Palotie, A. & de Bakker, P. I. W., elokuuta 2012, julkaisussa : *PLOS GENETICS*. 8, 8, e1002907.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Validation of prostate cancer risk-related loci identified from genome-wide association studies using family-based association analysis: Evidence from the International Consortium for Prostate Cancer Genetics (ICPCG)**

Jin, G., Lu, L., Cooney, K. A., Ray, A. M., Zuhlke, K. A., Lange, E. M., Cannon-Albright, L. A., Camp, N. J., Teerlink, C. C., Fitzgerald, L. M., Stanford, J. L., Wiley, K. E., Isaacs, S. D., Walsh, P. C., Foulkes, W. D., Giles, G. G., Hopper, J. L., Severi, G., Eeles, R., Easton, D., Kote-Jarai, Z., Guy, M., Rinckleb, A., Maier, C., Vogel, W., Cancel-Tassin, G., Egrot, C., Cussenot, O., Thibodeau, S. N., McDonnell, S. K., Schaid, D. J., Wiklund, F., Grönberg, H., Emanuelsson, M., Whittemore, A. S., Oakley-Girvan, I., Hsieh, C. L., Wahlfors, T., Tammela, T., Schleutker, J., Catalona, W. J., Zheng, S. L., Ostrander, E. A., Isaacs, W. B. & Xu, J., heinäkuuta 2012, julkaisussa : *HUMAN GENETICS*. 131, 7, s. 1095-1103 9 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Genome-wide association study identifies 3 genomic loci significantly associated with serum levels of homoarginine: The atheroremo consortium**

Kleber, M. E., Seppälä, I., Pilz, S., Hoffmann, M. M., Tomaschitz, A., Oksala, N., Raitoharju, E., Lyytikäinen, L. P., Mäkelä, K. M., Laaksonen, R., Kähönen, M., Raitakari, O. T., Huang, J., Kienreich, K., Fahrleitner-Pammer, A., Drechsler, C., Krane, V., Boehm, B. O., Koenig, W., Wanner, C., Lehtimäki, T., März, W. & Meinitzer, A., lokakuuta 2013, julkaisussa : *Circulation: Cardiovascular Genetics*. 6, 5, s. 505-513 9 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Prostate cancer gene regulatory network inferred from RNA-seq data**

Moore, D., Simoes, R. D. M., Dehmer, M. & Emmert-Streib, F., 2019, julkaisussa : *CURRENT GENOMICS*. 20, 1, s. 38-48 11 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**L1000 viewer: A search engine and Web interface for the LINCS data repository**

Musa, A., Tripathi, S., Dehmer, M. & Emmert-Streib, F., 2019, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 10, JUN, 557.  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Somatic alterations contributing to metastasis of a castration-resistant prostate cancer**

Nickerson, M. L., Im, K. M., Misner, K. J., Tan, W., Lou, H., Gold, B., Wells, D. W., Bravo, H. C., Fredrikson, K. M., Harkins, T. T., Milos, P., Zbar, B., Linehan, W. M., Yeager, M., Andersson, T., Dean, M. & Bova, G. S., syyskuuta 2013, julkaisussa : *HUMAN MUTATION*. 34, 9, s. 1231-1241 11 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Association of neuroimmune guidance cue netrin-1 and its chemorepulsive receptor UNC5B with atherosclerotic plaque expression signatures and stability in human(s) Tampere Vascular Study (TVS)**

Oksala, N., Pärssinen, J., Seppälä, I., Raitoharju, E., Ivana, K., Hernesniemi, J., Lyytikäinen, L. P., Levula, M., Mäkelä, K. M., Sioris, T., Kähönen, M., Laaksonen, R., Hytönen, V. & Lehtimäki, T., joulukuuta 2013, julkaisussa : *Circulation: Cardiovascular Genetics*. 6, 6, s. 579-587 9 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Relevance of different prior knowledge sources for inferring gene interaction networks**

Olsen, C., Bontempi, G., Emmert-Streib, F., Quackenbush, J. & Haibe-Kains, B., 2014, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 5, JUN, Article 177.  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Ras regulates interleukin-1 $\beta$ -induced HIF-1 $\alpha$  transcriptional activity in glioblastoma**

Sharma, V., Dixit, D., Koul, N., Mehta, V. S. & Sen, E., helmikuuta 2011, julkaisussa : *JOURNAL OF MOLECULAR MEDICINE: JMM*. 89, 2, s. 123-136 14 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Mutation spectra of the drinking water mutagen 3-chloro-4-methyl-5-hydroxy-2(5H)-furanone (MCF) in Salmonella TA100 and TA104: Comparison to MX**

Shaughnessy, D. T., Ohe, T., Landi, S., Warren, S. H., Richard, A. M., Munter, T., Franzén, R., Kronberg, L. & DeMarini, D. M., 2000, julkaisussa : *Environmental and Molecular Mutagenesis*. 35, 2, s. 106-113 8 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**B-cell lymphoma gene regulatory networks: Biological consistency among inference methods**

Simoes, R. D. M., Dehmer, M. & Emmert-Streib, F., 2013, julkaisussa : *Frontiers in Genetics*. 4, DEC, 00281.  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Genetic heterogeneity in Finnish hereditary prostate cancer using ordered subset analysis**

Simpson, C. L., Cropp, C. D., Wahlfors, T., George, A., Jones, M. S., Harper, U., Ponciano-Jackson, D., Tammela, T., Schleutker, J. & Bailey-Wilson, J. E., huhtikuuta 2013, julkaisussa : *EUROPEAN JOURNAL OF HUMAN GENETICS*. 21, 4, s. 437-443 7 Sivumäärä  
Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**Association analysis of 9,560 prostate cancer cases from the International Consortium of Prostate Cancer Genetics confirms the role of reported prostate cancer associated SNPs for familial disease**

Teerlink, C. C., Thibodeau, S. N., McDonnell, S. K., Schaid, D. J., Rinckleb, A., Maier, C., Vogel, W., Cancel-Tassin, G., Egrot, C., Cussenot, O., Foulkes, W. D., Giles, G. G., Hopper, J. L., Severi, G., Eeles, R., Easton, D., Kote-Jarai, Z., Guy, M., Cooney, K. A., Ray, A. M., Zuhlke, K. A., Lange, E. M., Fitzgerald, L. M., Stanford, J. L., Ostrander, E. A., Wiley, K. E., Isaacs, S. D., Walsh, P. C., Isaacs, W. B., Wahlfors, T., Tammela, T., Schleutker, J., Wiklund, F., Grönberg, H., Emanuelsson, M., Carpten, J., Bailey-Wilson, J., Whittemore, A. S., Oakley-Girvan, I., Hsieh, C. L., Catalona, W. J., Zheng, S. L., Jin, G., Lu, L., Xu, J., Camp, N. J. & Cannon-Albright, L. A., maaliskuuta 2014, julkaisussa : HUMAN GENETICS. 133, 3, s. 347-356 10 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**A Novel MMP12 Locus Is Associated with Large Artery Atherosclerotic Stroke Using a Genome-Wide Age-at-Onset Informed Approach**

Taylor, M., Mäkelä, K. M., Kilarski, L. L., Holliday, E. G., Devan, W. J., Nalls, M. A., Wiggins, K. L., Zhao, W., Cheng, Y. C., Achterberg, S., Malik, R., Sudlow, C., Bevan, S., Raitoharju, E., Oksala, N., Thijs, V., Lemmens, R., Lindgren, A., Slowik, A., Maguire, J. M., Walters, M., Algra, A., Sharma, P., Attia, J. R., Boncoraglio, G. B., Rothwell, P. M., de Bakker, P. I. W., Bis, J. C., Saleheen, D., Kittner, S. J., Mitchell, B. D., Rosand, J., Meschia, J. F., Levi, C., Dichgans, M., Lehtimäki, T., Lewis, C. M. & Markus, H. S., 2014, julkaisussa : PLOS GENETICS. 10, 7, e1004469.

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**A genome-wide expression quantitative trait loci analysis of proprotein convertase subtilisin/kexin enzymes identifies a novel regulatory gene variant for FURIN expression and blood pressure**

Turpeinen, H., Seppälä, I., Lyytikäinen, L. P., Raitoharju, E., Hutri-Kähönen, N., Levula, M., Oksala, N., Waldenberger, M., Klopp, N., Illig, T., Mononen, N., Laaksonen, R., Raitakari, O., Kähönen, M., Lehtimäki, T. & Pesu, M., 1 kesäkuuta 2015, julkaisussa : HUMAN GENETICS. 134, 6, s. 627-636 10 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu

**HOXB13 is a susceptibility gene for prostate cancer: Results from the International Consortium for Prostate Cancer Genetics (ICPCG)**

Xu, J., Lange, E. M., Lu, L., Zheng, S. L., Wang, Z., Thibodeau, S. N., Cannon-Albright, L. A., Teerlink, C. C., Camp, N. J., Johnson, A. M., Zuhlke, K. A., Stanford, J. L., Ostrander, E. A., Wiley, K. E., Isaacs, S. D., Walsh, P. C., Maier, C., Luedeke, M., Vogel, W., Schleutker, J., Wahlfors, T., Tammela, T., Schaid, D., McDonnell, S. K., Derycke, M. S., Cancel-Tassin, G., Cussenot, O., Wiklund, F., Grönberg, H., Eeles, R., Easton, D., Kote-Jarai, Z., Whittemore, A. S., Hsieh, C. L., Giles, G. G., Hopper, J. L., Severi, G., Catalona, W. J., Mandal, D., Ledet, E., Foulkes, W. D., Hamel, N., Mahle, L., Moller, P., Powell, I., Bailey-Wilson, J. E., Carpten, J. D., Seminara, D., Cooney, K. A. & Isaacs, W. B., tammikuuta 2013, julkaisussa : HUMAN GENETICS. 132, 1, s. 5-14 10 Sivumäärä

Tutkimustuotos >> vertaisarvioitu